



مطالعه اثرات پیوند هیدروژنی روی پارامترهای NQR هستههای H<sup>17</sup>O , <sup>14</sup>N , <sup>2</sup>H هستههای H سالیسیلات اکسیم با استفاده از نظریه تابعی چگالی

> **نرمین نورانی <sup>۱</sup>\*، پخشان اسپو که <sup>۲</sup>، هدایت راحمی<sup>۳</sup>** <sup>۱</sup>دانشگاه پیام نور، مرکز ارومیه، گروه شیمی <sup>۲</sup>دانشگاه تبریز، گروه فیزیک <sup>۳</sup>موسسه آموزش عالی نژند ، ارومیه، گروه شیمی

تاريخ ثبت اوليه: ١٣٨٩/١٠/٩، تاريخ دريافت نسخه اصلاح شده: ١٣٨٩/١١/٢٠ ، تاريخ پذيرش قطعي: ١٣٨٩/١١/٢٣

## چکیدہ

اثرات پیوند های هیدروژنی درون مولکولی H...N و زنجیره ای بین مولکولی ، O...H—O بر روی ساختار کریستالی سالیسیلات اکسیم (Salicylaldoxime) توسط نظریه تابع چگالی (DFT) مطالعه قرار گرفته است. برای این منظور ساختمان های مونومر و پلیمر سالیسیلات اکسیم موجود درشبکه توسط نظریه تابع چگالی (Baussview با تقارن ن<sup>1</sup> شبیه سازی شده سپس ساختار آن ها با استفاده از برنامه کامپیوتری 03 Gaussian طبق روشهای \*\*B3LYP/6-311<sup>++</sup>G فطبی هسته (Q) و پارامترنامتقارن (n q) برروی ساختار کریستالی آن در دمای ۱۳۰ کلوین برای هسته های NQR شامل ثابت جفت شدگی چهار نتایج نشان می دهد که به دلیل برهمکنش قوی پیوندهای هیدروژنی M...N—O ، O...H—O پارامترهای NQR در هسته های ا<sup>17</sup>O<sub>12</sub>, <sup>17</sup>O<sub>12</sub>, <sup>17</sup>O<sub>12</sub>, <sup>17</sup>O<sub>12</sub>, <sup>17</sup>O<sub>12</sub>, <sup>17</sup>O<sub>12</sub>, <sup>14</sup>N<sub>2</sub>, <sup>14</sup>

واژه های کلیدی: نظریه تابع چگالی(DFT)، طیف سنجی تشدید چهار قطبی هسته (NQR)، سالیسیلات اکسیم (Salicylaldoxime).

#### ۱. مقدمه

مشتقات سالیسیلات اکسیم به صورت پیوند هیدروژنی داخل حلقه ای و طرح زنجیره ای متبلور می شوند، (شکل های–۱ و ۲).

دو مولكول هر كدام با پیوند هیدروژنی داخل حلقه ای یک واحد نا متقارن سالیسیلات اكسیم تشكیل را می دهد (شكل-۱). در شبكه هر مولكول سالیسیلات اكسیم علاوه بر پیوند هیدوژنی

<sup>\*</sup> **عهده دار مکاتبات:** نرمین نورانی

**نشانی:** ارومیه -دانشگاه پیام نور -گروه شیمی

تلفن: ٩١٢٢٢٢٢٥٠ يست الكترونيك: E-mail: Nnoranil@yahoo.com

به علت طبيعت الكتروستاتيكي ييوند هيدروژني ، عواملي كه در توزيع بار پيرامون هسته دخيل هستند ماهيت الكترواستاتيكي دارند مى توانند تكنيكهاي مطمئني براي توصيف طبيعت پيوند هيدروژني باشند. اسپکتروسکوپی تشدیدچهارقطبی هسته ای ،NQR، به عنوان یک تکنیک چند منظورہ جھت مطالعہ جزئیات توزیع بار ہستہ ای و الکتریکی پیرامون هسته های مورد علاقه بنا نهاده شده است [۱۱ -۸]. هرهسته با تکانه زاویه ای اسیینی بیشتر از ۱/۲، I/2 علاوه بر گشتاور دو قطبی هسته ای, گشتاور چهار قطبی الکتریکی هسته ای eQ هم دارد یک چنین هسته ای اگر در میدان الکتریکی ناهمگن قرار بگیرد به علت نامتقارن بودن توزیع بار الکترون ها بین گشتاور چهار قطبی الکتریکی eQ آن هسته و گرادیان میدان الكتريكي EFG برهمكنش الكتروستاتيكي ايجاد مي شود اين بر همکنش اساس طیف سنجی رزنانس چهار قطبی هسته ای ،NQR، است [1۲]. تانسورهای گرادیان میدان الکتریکی (EFG) افزایش یافته در روی هسته های چهار قطبی پارامترهای فیزیکی مهمی برای شناخت محیط شیمیایی و ساختار مولکولی در اختیار می گذارند . توان این اثرات متقابل بستگی به بزرگی eQ و ویژه مقادیر EFG دارد که می تواند به طور تجربی با اسپکتروسکوپی تشدید چهار قطبی هسته (NQR) اندازه گیری شود. اما حساسیت بالا برای محیط الکتروستاتیکی هسته ، ساختارهای الکترونیکی و برهمکنشهای درون مولکولی مثل پیوند هیدروژنی(HB) می تواند یک اثر قابل توجه روی تانسورهای EFG ایجاد کند. محاسبات مکانیک کوانتومی پیشرفته تانسورهای EFG را در سیستم محورهای اصلی ،PAS، محاسبه می کند که از جمله پارامترهای قابل اندازه گیری NQR ثابت جفت شدگی چهار قطبی هسته ای (C<sub>Q</sub>) و پارامتر نامتقارن (η<sub>Q</sub>) هستند. در این کار تانسورهای EFG را در هسته های اکسیژن، نیتروژن و هیدروژن برای مطالعه ویژگی های برهمکنش HB گروههایO-H...O وO-H...N در سالیسیلات اکسیم مورد مطالعه قرار خواهیم داد. برای این هدف از ساختار بلوری سالیسیلات اکسیم در دمای ۱۳۰ کلوین که از مطالعه اشعه X بدست آمده است [۱] برای بهینه نمودن ساختار سه مولکول (شکل -۱و۲) سود برده و بررسی سیستماتیک ویژگیهای

داخل حلقه ای به صورت پیوند هیدروژنی زنجیره ای و متقارن قرار می گیرد . هر واحد متقارن شبکه از دو مولکول نا متقارن (شکل–۱) تشکیل شده که از بر همکنش های اوربیتال های  $\pi - \pi$  بین مولکول ها در زنجیر نتیجه شده اند. در سالیسیلات اکسیم پیوند های هیدروژنی زنجیره ای بیشتر از پیوند های هیدروژنی درون حلقوی با اهمیت هستند. دو مولکول واحد نا متقارن سالیسیلات اکسیم (شکل–۱) به صورت یک در میان درامتداد زنجیره پیوند هیدروژنی 0...H–O بین مولکولی اشکل–۲) قرار گرفته اند. و همچنین پیوند های هیدروژنی فنولی درون مولکولی ۲...H–O شکل می گیرند. برهمکنش زنجیره ها با همدیگر از طریق پیوند  $\pi - \pi$  بین دو مولکول نا متقارن ایجاد می شود که نتیجه این اثرات متقابل  $\pi - \pi$  در اتمهای حلقه فنیل ، فاصله ( $^{10}$ ) مولکول ۲ از ( $^{10}$ ) مولکول ا بین <sup>۸</sup>۹۹۶ و ۲.۶۹۹



شكل ١- دو مولكول تشكيل دهنده واحد نا متقارن ساليسيلات اكسيم.



شکل ۲- زنجیره پیوند ٔ هیدروژنی در شبکه سالیسیلات اکسیم.

۷١

پیوند هیدروژنی HB گروههایO—H...O وO—H...N را انجام خواهیم داد.

## ۲. روش های محاسباتی

در این کار از برنامه های کامپیوتری Gaussian view، Gaussian 03، [۱۳] استفاده شده و همه محاسبات شیمی کوانتومی براساس روش DFT و روش B3LYP و سری های پایه -6 \*6-311+G+، \*\*G++131

محاسبات شیمی کوا نتومی روی ساختارهای بهینه شده مولکول های مورد نظر جهت ارزیابی تانسورهایEFG هسته های PH ,  $^{14}$ N ,  $^{2}$ H طرح ریزی شده است. ساختار کریستالی سالیسیلات اکسیم در حالت پلیمری شامل محتمل ترین برهمکنش متقابل پیوند هیدروژنی بین مولکولی است. تانسورهایq , و متقابل پیوند هیدروژنی بین مولکولی است. تانسورهایq , با استفاده در سیتم محورهای اصلی, PAS  $|x_{yy}|\langle |y_{yy}\rangle |$ , با استفاده از معادلات (۱) و (۲) برای ارزیابی پارامترهای تجربی (C<sub>Q</sub>) و (۱) Q محاسبه شده اند.

$$C_{Q=}(MHz) = e^2 Qq_{zz} h^{-1}$$
(1)

$$\eta_{Q} = \left| \begin{array}{c} \frac{q_{XX} - q_{YY}}{q_{ZZ}} \end{array} \right| \qquad 0 \le \eta_{Q} \le 1 \tag{(Y)}$$

مقادیر استاندارد گشتاور چهارقطبی هسته ،eQ، گزارش شده توسط [۱۵،۱۴ Pyykkö در معادله (۱) مطابق زیر است:

 $Q(^{17}O)=25.58$ mb,  $Q(^{14}N)=20.44$ mb, and  $Q(^{2}H)=2.86$  mb

### ۳. بحث و نتایج ساختاری

با استفاده از نرم افزار گوسین و ساختار کریستالی سالیسیلات اکسیم در دمای ۱۳۰K برای هر سه مولکول به روش B3LYP و مجموعه توابع پایه \*\*G<sup>++</sup>GE-6 و \*G<sup>+1</sup>1E-6 بهینه شدند ، انتخاب سری های پایه و روش محاسباتی بر روی مقادیر بدست آمده تاثیر مستقیم دارند و همانطوری که انتظار می رفت نتایج حاصل از سری های پایه \*\*G<sup>++</sup>GE-6 دقیق تر از \*G<sup>+</sup>G

هستند، (جدول-۱). باید توجه داشت که طول پیوند و زوایای پیوندی محاسبه شده در فاز گازی بوده و انرژی های شبکه منظور نشده اند و با مقادیر تجربی مقایسه شده اند تفاوت کمی بین مقادیر محاسباتی و روش تجربی وجود دارد و در کل با افزایش قطبیت و نفوذ پذیری سری های پایه به مقادیر تجربی نزدیک تر می شویم . برای مقایسه نزدیکتر طول پیوندهای درگیر در پیوندهای هیدروژنی در (جدول-۲) زیر مرتب شده اند و مقایسه نشان میدهد که طول پیوند H—O داخل حلقه از مونومر به پلی مر کاهش یافته و طول پیوند H—O از مونومر به زنجیر افزایش یافته است در صورتیکه طول پیوند هیدروژنی از مونومر به پلی مر در حدود ۱٪ کاهش نشان می دهد و طبیعی است که دانسیته بار الکترونی روی هسته های H<sup>2</sup>, N<sup>14</sup>, O<sup>11</sup> تغییر یافته و گرادیان نیز تحت تاثیر قرار خواهد گرفت.

در زنجیر مونومرها ی ۱ و ۲ بطور یک در میان قرار گرفته و دارای دو نوع ۱- پیوند هیدروژنی درون حلقه ای -051 H51...N21 با زاویه °521 و O52-H52...N22 با زاویه °551 H11...O52 011 تقریبا ۲- پیوند هیدروژنی بین مولکولی-O51 2021 تقریبا خطی°761 و O51.H12-H12 تحت زاویه °561 خواهیم داشت و طبیعتاً اتم های سازنده پیوندهای هیدروژنی H<sup>2</sup>, N<sup>14</sup>, O<sup>17</sup> گرادیان میدان الکتریکی متفاوتی را تجربه خواهند کرد و بزرگی این تغییرات برای هر هسته بستگی به سهم آن در بر همکنش های متقابل دارد (شکل های ۱ و ۲).

# **1-۳. تانسورهای گرادیان میدان الکتریکی**

عناصر تانسور های EFG هسته های مورد نظر را با استفاده از مقادیر ساختاری بهینه شده توسط روش -DFT/B3LYP/6 \*\*G\*++G\* را با نرم افزار گوسین و با همان روش محاسبه نموده و بعد از قطری نمودن کمیات q<sub>xx</sub>, q<sub>yy</sub>, q<sub>zz</sub> بدست آوردیم. با استفاده از معادلات (۱) و (۲) پارامترهایNQR که شامل ثابت جفت شدگی چهار قطبی هسته C<sub>Q</sub> و پارامترهای نامتقارن g η اند. مقادیر محاسبه شده C<sub>Q</sub> و g<sub>R</sub> در هسته های H<sup>2</sup>, N<sup>14</sup>N راترهای مقادیر محاسبه شده است. متاسفانه اطلاعات تجربی پارامترهای

Distance and head angle	Crystalling data		Optimization
Distance and bond angle	Ci ystainife uata	6-311+G*	6-311++G**
Monomer 1			
rO11-H11 (Å)	•/٨١(٢)	•/٩٧	• / <b>\</b> Y
rO51-H51	·/A۶(Y)	•/٩٩	• /\\
rH51N21	1/10(1)	1/47	١/٨٦
Monomer 2			
rO12-H12	•/AV(Y)	•/٩٧	• /AV
rO52-H52	•/A&(Y)	•/٩٩	• /AΔ
rH52N22	1/14(1)	1/٣٧	١/٨٦
Polymer			
rO11-H11 (Å)	•/٨١(٢)	•/ <b>\</b> \$	• /AY
rO51-H51	•/ <b>\\$</b> \$(¥)	•/٩١	• /AV
rH51N21	1/10(1)	1/40	١/٨٥
rO12-H12	•///(۲)	۰/۸۳	• /AY
rO52-H52	•/A&(Y)	•/٩٢	• /A <del>9</del>
rH52N22	1/14(1)	١/٣١	١/٨٤
rH11O52	۲/۰۱(۲)	۲/۲۶	۲/۰۱
rH12051	1/99(7)	۲/• ۹	१/९९
rO11-H11O52	٢/٨١٣٧(٢)	Y/VY	Y/AY
rO12-H12O51	2/2960(2)	۲/۶۸	۲/۸۰
rO51-H51N21	Y/STAF(Y)	۲/۳۴	Y/94
rO52-H52N22	Y/9YAQ(Y)	١/٧٨	۲/۶۵
∠ 011-H11052(°)	۱۷۶(۲)	١٢١	118
∠012-H12051	100(1)	118	109
∠ O51-H51N21	121(1)	110	107
/ 052-H52 N22	104/4(1)	174	100

# NQR برای هسته هیدروژن و نیتروژن و اکسیژن در مولکول های 💦 سالیسیلات اکسیم برای مقایسه با مقادیر محاسبه شده وجود ندارند .

جدول ۲- مقایسه طول پیوند های در گیر در مونومر و پلی مر.

	Mono 1	Poly		Mono 2	Poly
rO11-H11	·/ <b>\</b> Y	•/84	rO12-H12	• /AV	•/\\
rO51-H51	•/٨۵	•/AV	rO52-H52	<ul> <li>/\\\</li> </ul>	•/ <b>\</b> ۶
rH51N21	١/٨٦	١/٨٥	rH52N22	١/٨۶	١/٨۴

جدول ۳- ثابت های جفت شدگی چهارقطبی (C<sub>Q</sub>) و پارامترهای نامتقارن (η<sub>Q</sub>).

Nucleus	Basis set	C <sub>Q</sub> (MHz)		ηο	
		Monomer	Polymer	Monomer	Polymer
N21	6-311+G*	۵/۱۸	۴/۳۳	•/٧۴	•/٩٩
	6-311++G**	۵/۲۶	4/44	• /VY	•/٩٧
N22	6-311+G*	۵/۱۸	4//٢٩	•/VF	1/19
	6-311++G**	۵/۲۶	4/91	• /VY	1/1A
011	6-311+G*		14/1.		۰/ <b>۸</b> ۲
	6-311++G**		17/79		۰/ <i>۸۶</i>
O12	6-311+G*		۱۰/۸۰		1/66
	6-311++G**		$1 \cdot / \Delta V$		1/08
O51	6-311+G*	٨/٩١	٩/۴٨	1/01	1/31
	6-311++G**	٨/٧٩	९/٣٩	١/۵٠	١/٣٠
052	6-311+G*	۱۳/۸۳	13/42	۰/۸۱	Y/VV
	6-311++G**	18/68	13/07	•/٨۵	۲/۷۶
H11	6-311+G*		•/۴۶		$\gamma/\Delta \Lambda$
	6-311++G**		•/۴٨		۲/۶۰
H12	6-311+G*		۰/۳۱		۲/۶۷
	6-311++G**		۰/۳۰		۲/۶۵
H51	6-311+G*	•/۴۴	• / ٣ ٢	۲/۷۹	۲/۷۵
	6-311++G**	•/۴۵	•/٣۴	Y/VA	Y/VV
H52	6-311+G*	•/\$9	• /٣٣	۲/۵۹	۲/۹۱
	6-311++G**	•/۴٨	• / ٣ •	Y/DV	1/44

کنند. بنابراین پارامترهای C<sub>Q</sub> و η<sub>Q</sub> در مواضع <sup>17</sup>N , <sup>2</sup>H پیوند های هیدروژنی O—H…O و O—H…O با مولکول های 💿 مخصوصا در هسته <sup>17</sup>0 به طور قابل توجهی تحت تاثیر پیوند هيدروژني از پليمر به مونومر در شبکه قرار مي گيرند، (جدول-۲).

هر مولکول سالیسیلات اکسیم از طریق به اشتراک گذاشتن مجاور در شبکه سالیسیلات اکسیم زنجیر هیدروژنی ایجاد می  $^{17}$ B3LYP/6-311<sup>+</sup>G<sup>\*</sup> و محاسبات B3LYP/6-311<sup>+</sup>G<sup>\*</sup> بهینه کرده و محاسبات B3LYP/6-311<sup>+</sup>G<sup>\*</sup> و 311<sup>++</sup>G<sup>\*</sup>,  $^{17}$ O,  $^{14}$ N و  $^{16}$ N,  $^{14}$ N ای  $^{16}$ N,  $^{14}$ N ای  $^{16}$ C,  $^{16}$ C,  $^{16}$ N,  $^{16}$ C,  $^{16}$ C,  $^{16}$ N,  $^{16}$ C,  $^{16}$ C,

٥. مراجع

[1] P.A. Wood, R.S. Forgan, D. Henderson, S. Parsons, E. Pidcock and P.A. Tasker, J.E. Warren, *Acta. Cryst. B.*, 62 (**2006**) 1099.

[2] A.E. Koziol and Z.P. Kosturkiewicz, J. Chem., 75 (1984) 58569.

[3] F.R. Ahmed, S.R. Hall, C.P. Huber and A.C Larson, *Crystallographic Computing*, Munksgaard, Copenhagen, 291 (**1970**).

[4] J.K. Maurin, Acta. Cryst. C., 50 (1994) 1357.

[5] L.L. Merritt and E. Schroeder, Acta. Cryst., 9 (1956) 194.

[6] C.E. Pfluger and R.L. Harlow, *Acta. Cryst. B.*, 29 (1973) 2608.

[7] S.H. Simonsen, C.E. Pfluger and C.M. Thompson, *Acta. Cryst.*, 272 (**1961**) 14269.

[8] B. Nogaj, J. Phys. Chem., 91 (1987) 5863.

[9] J. Hunt and A.L.M. Hunt, J. Magn. Reson., 22 (1976) 295.

[10] M.J. Hunt, A.L. Mackay, J. Magn. Reson., 15 (1974) 402.

[11] J. Murgich, Y. Aray and H.J. Soscum, *J. Phys. Chem.*, 96 (**1992**) 9198.

[12] R. Bersohn, J. Chem. Phys., 20 (1952) 1505.

[13] M.J. Frisch, G.W. Trucks, H.B. Schlegel, G.E. Scuseria, M.A. Robb, J.R. Cheeseman and *et.al* GAUSSIAN 03, Revision B.01, Gaussian, Inc., Pittsburgh, PA, (**2003**).

[14] K. Wolinski, J.F. Hinton and P. Pulay, *J. Am. Chem. Soc.*, 112 (**1990**) 8251.

[15] P. Pyykkö, Mol. Phys., 99 (2001) 1617.

برای مشخص شدن ویژگی های بر همکنش یبوند هيدروژني O—H…N روى گراديان ميدان الکتريکی هسته های اتم های در گیر در مولکول سالیسیلات اکسیم از تغییرات عناصر تانسورهای EFG در موضع <sup>۲</sup>H که بصورت شیمیایی با <sup>1</sup>H ست. هسته است. هسته <sup>14</sup>N<sub>21</sub>, <sup>14</sup>N<sub>22</sub>, <sup>14</sup>N<sub>21</sub> در ييوند هيدروژنيO-H...O بامولكول هاي مجاور سهيم است ییوند H...N از مونومر به یلی مر افزایش یافته و ییوند H...N کاهش نشان داده و دانسیته بار الکترون را در محور پیوند از پلی مر به مونو مر تغییر می دهد و به همین دلیل یارامتر <sup>2</sup>H، 0.12kHz از یلی مر به مونومر در شبکه کاهش نشان می دهد. که این تغییرات قابل توجه در عناصر تانسور EFG در هسته H قابل مشاهده است و گروه O—H…O نقش اصلی را در اثرات برهمكنش متقابل ييوند هيدروژني بازي مي كند ، (جدول-۱) و (شکل  $-1e^{14}N_{22}$  ,  $^{2}H_{-14}^{-14}N_{21}$  بوای  $C_{Q}$  بوای  $C_{Q}$  به (شکل  $-1e^{14}N_{22}$ ترتبت ۱/۱۲ kHz و ۱/۱۲ kHz از یلیمر به مونومر در شبکه ساليسيلات اكسيم كاهش ييدا مي كند ، (جدول-٣). (ر<sup>17</sup>O<sub>01</sub>)، ۰/۶ MHz Co(<sup>17</sup>O<sub>0</sub>۲) و (۲۵ MHz ۲۰) از پلیمر به مونومر در شبکه افزایش پیدا می کند ، (شکل -۲). در تائید تغییرات MHz ، η ο بدر  $^{17}O_{51}$  کم می شود .قابل توجه است که تغییرات طول یبوند.  $^{17}$ ها در پیوند هیدروژنی به میزان چشمگیری روی عناص تانسور در  $^{14}N_{21}$  اثر می گذارد در حالی که  $^{14}N_{22}$  در EFG در EFG ساختار بلور از طریق طول پیوند و زاویه پیوند هیدروژنی —O اثر می گذارد، مقادیر  $C_0$  هسته های  $^{14}N_{21}$  به H...Nمقدار ۸۲ MHz افزایش و ۹۵ به اندازه ۰/۲۵ MHz کاهش پیدا می کنند. تغییرات یارامترهای C<sub>Q</sub> از طریق اثرات متقابل پیوند هيدروژني در ساليسيلات اکسيم بيشتري است.

# ٤. نتيجه گيري

با یک کار محاسباتی خواص پیوند هیدروژنی را در ساختار کریستالی سالیسیلات اکسیم با استفاده از ارزیابی پارامترهای NQR مورد مطالعه قرار دادیم . برای این منظور ساختار مونومر و پلیمر کریستالی سالیسیلات اکسیم را با استفاده از روش-B3LYP/6