



بررسی نظری برهمکنش های π-π بین بخش های حلقوی بعضی از داروها با نوکلئیک اسیدهای گوانین و آدنین: روش DFT، آنالیز AIM و محاسبات

حسین عزیزی توپکانلو*^۱، ضحی رحمانی^۲ ^۱گروه شیمی، دانشگاه نیشابور، نیشابور، ایران ^۲گروه شیمی، آزمایشگاه شیمی کوانتومی محاسباتی، دانشگاه سیستان و بلوچستان، زاهدان، ایران

تاريخ ثبت اوليه:١٣٩۶/٠٩/٠٣، تاريخ دريافت نسخه اصلاح شده:١٣٩۶/٠٧/١٩ ، تاريخ پذيرش قطعي:١٣٩۶/٠٧/٢٥

چکیدہ

روش تابعی چگال (DFT)، اتم در مولکول و روش NBO برای بررسی برهمکنش های π-π بین بخش های مختلف دارویی حلقوی شامل ایندول (I)، بنزوتیوفن (Bt) و بنزوفوران(Bf) با گوانین (G) و آدنین (A) به کار گرفته شد. چندین کنفورمر مختلف از کمپلکس های تشکیل شده بین بخش های مختلف دارویی با گوانین و آدنین توسط تابع (G) ++G(d,p) به کار گرفته شد. چندین کنفورمر مختلف از کمپلکس های تشکیل ۱A6 بیشترین پایداری را در بین تمام کنفورمرهای گوانین و آدنین دارند و ترتیب پایداری ها برای کمپلکس های گوانین به صورت <IG1 و IA6 بیشترین پایداری را در بین تمام کنفورمرهای گوانین و آدنین دارند و ترتیب پایداری ها برای کمپلکس های گوانین به صورت <IG1 و IA6 بیشترین پایداری را در بین تمام کنفورمرهای گوانین و آدنین دارند و ترتیب پایداری ها برای کمپلکس های گوانین به صورت <IG1 را IA6 بیشترین پایداری را در بین تمام کنفورمرهای گوانین و آدنین دارند و ترتیب پایداری ها برای کمپلکس های گوانین به صورت <IG1 را IA6 بیشترین پایداری را در بین تمام کنفورمرهای گوانین و آدنین دارند و ترتیب پایداری ها برای کمپلکس های گوانین به صورت <IG1 را IA6 بیشترین پایداری را در بین تمام کنفورمرهای آدنین به صورت IA6 حاله است. به علاوه، بررسی ما نشان داد که نتایج حاصل از روش IFG کاملا در تطابق با نتایج به دست آمده از آنالیز IA1 است. اما بر عکس از تباط مناسبی بین نتایج AIM و OBN مشاهده نگردید.

واژه های کلیدی : برهمکنش های π-π انرژی برهمکنش، انرژی اتصال، بخش های دارویی.

۱. مقدمه

برهمکنش های غیر کوالانسی نقش بسیار ویژه ایی را در علوم زیستی، کنترل پدیده های متنوعی شامل دمای جوش مایعات، انرژی های حلال پوشی و تعیین ساختار DNA و RNA و پروتئین ها بازی می کنند. برهمکنش های π (π-interactions) شامل (استکینگ) انباشتگی π (stacking)، کاتیون-π، آنیون –π، ۲۰۰۰ یا ۲۰۰۰ و تشکیل دهنده ی یکی از مهم ترین طبقه بندی های برهمکنش های غیر کوالانسی می باشند که نقش حیاتی در ساختارهای بیومولکولی، اتصالات دارویی و خواص مواد مزدوج π –π را

تلفن: ۵۱۴۳۳۰۵۰۰۰ پست الکترونیک: E-mail: h.azizi@neyshabur.ac.ir

^{*}**عهده دار مکاتبات:** حسین عزیزی توپکانلو

نشانی: گروه فیزیک و شیمی، دانشگاه نیشابور، نیشابور، ایران

ایفا می کند [۵–۱]. برای نشان دادن اهمیت موضوع می توان گفت که برهکمنش های آروماتیک-آروماتیک نقش بسیار ویژه ایی نه تنها در پایداری پروتئین ها بلکه در شناسایی فرایندهای پروتئین – پروتئین و پروتئین – لیگاند را بر عهده دارند [۶]. به همین دلیل

است که بسیاری از محققین بیش از نیم قرن است که علاقه مند به بررسی سیستم های دارای برهم کنش π هستند [۸-۷]. با تمام این وجود هنوز سوالات اساسی درمورد برهم کنش های غیر کوالانسی باقی مانده است، سوالاتی از قبیل اینکه قدرت این پیوندها چقدر است و یا اینکه تغییر ساختار هندسی سیستم ها چه تاثیری بر قدرت این پیوندها دارند. بنابراین جهت طراحی داروی مناسب برای کاربردهای خاص و پیش بینی خواص فیزیکی برای کاربردهای ویژه نیاز است تا یک ارتباط مناسبی بین خواص پایه ای سیستم از قبیل ساختار الکترونیکی و مولکولی و خواص شیمیایی و فیزیکی این سیستم ها برقرار بشود. به عبارت ساده تر باید بتوان به طریقی یک ارتباط منطقی و علمی بین خواص میکروسکوپی و خواص ماکروسکوپی درمورد این سیستم ها برقرار کرد. نوکلئیک اسیدها یکی از مهمترین گروه های زیستی شامل برهمکنش های π یک نقش بسیار اساسی را در پدیده های بیولوژیکی دارند. مهمترین دلیل برای این موضوع این است که این دسته از مواد می توانند برهمکنش های برگشت پذیر با طیف وسیعی از مواد شامل آب، یون های فلزی و کمپلکس هایشان، مولکول های آلی کوچک و پروتئین ها داشته باشند. این برهمکنش ها از آن جهت دارای اهمیت خاصی هستند که در تداخل داروها در داخل DND تاثیر گذار هستند [۱۰-۹]. همچنین برهمکنش های از آن جهت این جهت دارای اهمیت هستند که می توان از آنها برای فهمیدن چندریختی های وابسته به زنجیره استفاده کرد که اساسا توسط دارای جهت بازهای تک تعین می گردد [۱۱].

به جهت اهمیت موضوع مطالعات بسیار زیادی در زمینه برهمکنش های انباشتگی π هم به صورت تجربی [۱۳–۱۲] و هم به صورت نظری [۱۵–۱۴] صورت گرفته است. در بین بسیاری از مواد فعال زیستی، ایندول ها^۱ (I) دسته مهمی از مواد هتروسیکل هستند که دارای ویژگی هایی مانند داشتن خواص دارویی، داروهای گیاهی و همچنین به عنوان یک زیربنا در مواد عامل دار شده می باشد (شکل ۱). ایندول از یک حلقه بنزنی و یک حلقه پیرول تشکیل شده است که با یک پیوند دوگانه به همدیگر به اشتراگ گذاشته شده اند. همچنین زنجیره کناری آمینو اسید تریپتوفان به طور نرمال توسط ایندول مدل شده است. ویژگی مهم دیگر ایندول در این است که در ساختار داروهای موثری مانند ایندومتازین^۲ و التریپتان^۳ به کار رفته است. از گونه های فعال بیولوژیکی دیگر می توان به ترکیبات هتروسیکل بنزوفوران^۴ (Bf) و بنزوتیوفن^۵ (Bt) اشاره کرد که به ترتیب حلقه بنزن به مولکول های فوران^۶ و تیوفن^۷ متصل شده است (شکل ۱). مشتقات بنزوفوران برای مشکلاتی مانند برطرف کننده ی قند خون بالا، ضد درد، ضد عفونی کننده، ضد ترکیبات هتروسیکل بنزوفوران^۹ (Bf) و بنزوتیوفن^۵ (Bt) اشاره کرد که به ترتیب حلقه بنزن به مولکول های فوران^۶ و تیوفن که مند شده است (شکل ۱). مشتقات بنزوفوران برای مشکلاتی مانند برطرف کننده ی قند خون بالا، ضد درد، ضد عفونی کننده، ضد آرکیبات هروسیور و مورد استفاده قرار می گیرد [۱۷–۱۶] و همچنین به صورت بخش اصلی برخی از داروها شرکت می کنند میکروبی و ضد تومور مورد استفاده قرار می گیرد [۱۷–۱۶] و همچنین به صورت بخش اصلی برخی از داروها شرکت می کنند

¹ indoles

- ² indomethacin
- ³ eletriptan
- ⁴ benzofuran
- ⁵ benzothiophene
- ⁶ furan
- ⁷ thiophene

(JQCS)

هدف از این تحقیق مطالعه و تمرکز برروی برهمکنش های انباشتگی π – π بین بخش های دارویی'(DF) مرسوم شامل ایندول، بنزوفوران و بنزوتیوفن و چند اسید نوکلئیک شامل گوانین' (G) و آدنین" (A) با بکارگیری روش های مکانیک کوانتومی است. ساختار مولکولی گوانین و آدنین در شکل ۱ آورده شده است. بررسی و تعیین کنفورمرهای مختلف کمپلکس های تشکیل شده بین DF های مورد مطاله و اسید نوکلئیک گوانین و آدنین هدف بعدی این کار است.



شکل ۱. ساختار مولکولی ایندول، بنزوتیوفن، بنزوفوران، آدنین و گوانین.

۲. روشهای محاسباتی

تمام محاسبات با برنامه ی 90 Gaussion [۱۹] در سطح محاسباتی M062X و تابع پایه (۹] ++G(d,p) انجام شده اند. به خوبی مشخص شده است که روش DFT می تواند تعادل خوبی بین هزینه و صحت نتایج محاسباتی برقرار کند. ما در این کار از تابع محاسباتی X062X که پیشنهاد ترولار⁴ و همکارانش [۲۰] بوده است استفاده کردیم که پیش بینی های بسیار دقیقی را برای برهمکنش های غیر کوالانسی نتیجه می دهد [۲۱]. هر ساختار بهینه سازی شده ی نهایی باید کنترل شود تا در طول محاسبات فرکانس در سطوح مربوطه، مینیمه می دهد [۲۱]. هر ساختار بهینه سازی شده ی نهایی باید کنترل شود تا در محاسبات فرکانس در سطوح مربوطه، مینیمم حقیقی باشد. همچنین، همان طور که از قبل مشخص است انرژی های برهم کنش به شدت تحت تأثیر خطای برهم نیش مجموعه ی پایه ⁽²SSE) قرار دارد [۲۲]. برای انرژی برهم کنش، با به کار بردن تصحیح معادل کننده³، BSSE محاسبه می شود و انرژی نسبی یک ساختار معین، به مفهوم اختلاف موجود نسبت به پایدارترین ساختار است.

- ¹ drug fragments
- ² Guanine
- ³ Adenine
- ⁴ Truhlar
- ⁵ Basic Set Supper Position Error (BSSE)
- ⁶ Counterpoise method

(معمولاً هستهها) وابسته به شکل هندسی سیستم مورد مطالعه بسط مییابند، وجود دارند. آنالیزهای NBO' با به کارگیری نرم افزار NBO 5.0 انجام گرفت [۲۳]. همچنین برای بررسی خواص توپولوژیکی دانسیته بار الکترونی از روش اتم در مولکول [۲۵] AIM' با استفاده از نرم افزار AIM2000 [۲۵] توسط سطح محاسباتی M062X و تابع پایه (G(d,p)++G(d,p) انجام گرفت.

۳. نتايج و بحث

کنفورمرهای مختلف کمپلکسهای ایندول – گوانین (IG), بنزوتیوفن – گوانین (BtG), بنزوفوران – گوانین و همچنین کمپلکسهای ایندول – آدنین (IA) بنزوتیوفن – آدنین (BtA) و بنزوفوران – آدنین (BfA) بهمنظور بررسی برهم کنش بین باز و قطعهی دارویی در سطح نظری (M062X/6311++G(d,p بهینه شدند. محاسبات AIM و NBO نیز بر روی آنها انجام پذیرفت.

۳-۱. کمپلکس های ایندول- گوانین (IG)

با توجه به میزان انرژی برهم کنش، کمپلکس IG شامل هفت کنفورمر است (IG1 تا IG7). انرژی برهم کنش بین گونه ۱ و گونه ۲، با استفاده از معادلهی زیر محاسبه می شود [۲۶]:

$$\Delta E = (E_{Complex}) - (E_{DF} + E_{G \text{ or } A})$$
(1)

در این معادله E_{DF} و E_{DF} به ترتیب نشان دهندهی انرژیهای بخش های دارویی (ایندول، بنزوتیوفن و بنزوفوران) و انرژی های گوانین یا آدنین هستند و E_{Complex} انرژی کمپلکس تشکیل شده از DF و G یا A است. ΔE انرژی کل برهم کنش (پایداری) بین DF و G یا A است. به هر حال میتوان آنها را از نظر محدودهی انرژی به سه دسته تقسیم کرد.

دسته یاول شامل کنفورمرهای IG1 و IG4 می شود. کمپلکس IG1 پایدارترین کنفورمر در بین هفت کنفورمر موجود است (شکل ۲). محاسبات AIM نشان می دهد که احتمالا حضور نقطه بحرانی پیوند بین کربن گروه کربونیل باز گوانین با یکی از کربن های حلقه ی ایندول [C ... C] و همچنین یکی از کربن های باز گوانین با نیتروژن درون حلقه ی ایندول [C ... HN] ، موجب پایداری این ساختار شده است. به علاوه نقطه بحرانی بین یکی از هیدروژن های گروه ی HN باز گوانین با کربن حلقه ایندول [C ... نیز به پایداری این کنفورمر کمک می کند.

در کمپلکس IG4 که از نقطهنظر پایداری در رتبهی دوم قرار دارد، برهم کنش ضعیف پیوند هیدروژنی بین اتم اکسیژن گروه کربونیل گوانین و هیدروژن NH ایندول [NH ... C=O] مشاهده میشود بهطوری که فاصلهی اتم اکسیژن گروه کربونیل با هیدروژن Å2255 است. بهعلاوه برهم کنش هیدروژنی ضعیف [C ... HNH] در این کنفورمر نیز مشاهده میشود. با توجه به مجموع چگالی الکترونی در نقاط بحرانی پیوند برای این دو کنفورمر، مشاهده میشود که برای کمپلکس IG1 این مجموع، بیشتر از سایر کنفورمرهاست. از طرفی با وجود این که در ساختار IG1 برهم کنش ضعیف پیوند هیدروژنی [C=O ...

¹ natural bond orbital (NBO)

² atoms in molecules

مشاهده نمی شود و فاصله ی اتم اکسیژن گروه کربونیل با هیدروژن متصل به نیتروژن 2.853Å است ولی احتمالاً به دلیل داشتن برهم کنش π-π استکینگ قوی تر، پایدار تر از ساختار IG4 است زیرا در کنفورمر IG4 باز گوانین روی سطح مولکول ایندول کج شده است و حضور برهم کنش π-π استکینگ بین حلقه های آروماتیک دو مولکول کمرنگ شده است.



شکل ۲. کانفورمرهای طراحی شده بین ایندول - گوانین.

ساختارهای IG2 و IG5 از نظر پایداری انرژی برهم کنش در دستهی دوم جای می گیرند. در هر دوی این ساختارها نقطهی بحرانی پیوند بین [C=O ... HN] و [C=O ... HN] مشاهده نمی شوند و به همین دلیل نسبت به دسته ی اول ناپایدار ترند. کنفور مر IG4 به دلیل وجود برهم کنش [C=C ... C] و [HNH ... NC] نسبت به ساختار IG5 پایدار تر است. در ساختار IG5 اکسیژن گروه کربونیل گوانین با اتم نیتروژن ایندول [NH ... C] و [NC ... NH] نسبت به ساختار IG5 پایدار تر است. در ساختار IG5 اکسیژن گروه کربونیل اکسیژن و نیتروژن ایندول [NH ... C] و Solution داده است که به دلیل وجود دافعه یین زوج الکترونهای تنهای اتمهای اکسیژن و نیتروژن، موجب ناپایداری این ساختار می شود. در ساختار IG5 باز گوانین بر روی ساختار ایندول کج شده و فاصلهی اکسیژن گروه کربونیل و هیدروژن اNH ایندول، ۲/۴۲۳ Å است که می تواند حاکی از برهم کنش ضعیف بین اکسیژن و هیدروژن باشد که در ساختار IG2 وجود ندارد و به همین دلیل برخلاف انتظار مجموع چگالی الکترونی در نقاط بحرانی پیوند برای کنفور مر IG5 نسبت به IG2 کمی بیشتر است که با تر تیب انرژی پایداری این دو کنفور مر مطابقت ندارد. ساختارهای IG3 و IG6 و IG7 از نظر پایداری انرژی برهم کنش در دسته سوم قرار دارند. در هر سه ساختار نقطه بحرانی پیوند بین [HNH ... C] و [C=O ... HN] دیده نمی شود بنابراین نسبت به دسته اول ناپایدار ترند. در ساختارهای IG6 و IG3 حضور نقطه بحرانی پیوند بین [O=C ... C] منجر به پایداری این ساختارها نسبت به کنفور مر IG7 می شود ولی از طرفی درساختار IG6 حضور نقطه ی بحرانی پیوند بین [O=C ... NH]، که در کنفور مرهای IG3 و IG7 دیده نمی شود، باعث پایداری ساختار IG6 نسبت به کنفور مر IG3 می شود. در ساختار IG7 هیچ یک از برهم کنش های فوق وجود ندارد، بنابراین ناپایدار ترین ساختار محسوب می شود. از طرفی مجموع چگالی الکترونی در نقاط بحرانی پیوند برای کنفور مر IG6 بیشتر از دو کنفور مر دیگر است که با انرژی پایداری کمپلکس ها هم خوانی دارد. برای فهم بهتر نمودار ΔE بر حسب مΣ به دست آمده برای کمپلکس های ایندول-گوانین در شکل ۳ آور ده شده است. همانطور که از این شکل استنباط می شود تقریبا یک رابطه خطی بین این دو پارامتر برقرار است. داده های مربوط به چگالی الکترونی در نقاط بحرانی پیوند برای برهم کنش های مؤثر در پایداری کمپلکس های ایندول-گوانین در شکل ۳ آور ده شده است. همانطور که از این شکل استنباط می شود تقریبا یک رابطه خطی بین این دو پارامتر برقرار است. داده های مربوط به چگالی الکترونی در نقاط بحرانی پیوند برای مؤثر در پایداری کمپلکس های ایندول-گوانین در جوار شکل ۳ مده است.



شکل ۳. ΔE بر حسب $\Sigma \rho$ بدست آمده برای کمپلکس های ایندول-گوانین.

جدول ۱. انرژی پایداری ∆E برحسب کیلوکالری بر مول و دانسیته الکترونی p محاسبه شده در نقاط بحرانی پیوندها کمپلکس های ایندول - گوانین (IG).

	$\frac{\Delta \mathbf{E}}{(\mathbf{kcal mol}^{-1})}$	[C=0HN]	[C=ON]	[O=CC]	[NCNH]	[HNHC]	[H ₂ NC]	Σρ10 ²
IG1	-10/789			9/08.4	٨/٩٩٩۶	V/1414		2/081
IG2	-13/1.4			A/Y9A9	٨/٤١٩٨			1/8419
IG3	-1./411			۶/۴·۲۸				•/94.4
IG4	-10/893	10/47.9				٧/٧٣٦٨		۲/۳۱۰۷
IG5	-13/414		11/7881				۵/۶۲	1/17
IG6	-1•/۴18			٧/46.9	٧/٢٣٩٣			1/41
IG7	-1·/1AV							•/•••

۲-۳. کمپلکسهای بنزوتیوفن- گوانین (BtG)

با توجه به محدودهی انرژی برهم کنش کمپلکس بنزوتیوفن- گوانین، بر اساس شکل ۴ می توان هشت کنفورمر موجود BtG1 تا BtG8 را در سه دسته طبقه بندی کرد.

ساختارهای BtG5 و BtG5 دردستهی نخست قرار دارند. ساختار BtG6 به دلیل داشتن پیوند هیدروژنی [S ... HNH] و میزان بالای چگالی الکترونی نقطهی بحرانی برای این پیوند، پایدارترین ساختار است. حضور نقطهی بحرانی پیوند [C ... C] در هر دو ساختار BtG5 و BtG5 به پایداری آنها کمک می کند. ساختارهای BtG1 و BtG2 و BtG8 در دستهی دوم قرار می گیرند. در ساختارهای BtG1 و BtG5 به پایداری آنها کمک می کند. ساختارهای BtG1 و BtG2 و BtG8 در دستهی دوم قرار می گیرند. در ساختارهای BtG1 و BtG1 حضور نقطه بحرانی پیوند [S ... N] به دلیل دافعه بین زوج الکترونهای تنهای نیتروژن و گوگرد موجب ناپایداری ساختار میشود ولی در ساختار BtG8 حضور نقطه بحرانی پیوند [S ... S] به دلیل کاهش چگالی الکترون کربن در اتصال به نیتروژن و تمایل به برهم کنش با زوج الکترونهای تنهای گوگرد باعث پایداری ساختار میشود.

ساختارهای BtG3 و BtG4 و BtG4 در دسته یسوم جای می گیرند. کنفورمر BtG4 به دلیل حضور نقطه ی بحرانی پیوند ... O=C [C نسبت به دو ساختار دیگر پایدارتر است. در ساختار BtG7 هیچ یک از نقاط بحرانی فوق مشاهده نمی شود. کنفورمر BtG3 با داشتن نقطه ی بحرانی پیوند [C=O ... S] ناپایدارترین ساختار محسوب می شود. نمودار ΔE بر حسب Σρ بدست آمده برای کمپلکس های بنزوتیوفن-گوانین در شکل ۵ آورده شده است. همانطور که این شکل نشان می دهد یک رابطه خطی مناسبی بین این دو پارامتر برقرار نیست. داده های مربوط به چگالی الکترونی در نقاط بحرانی پیوند برای برهم کنش های مؤثر در پایداری کمپلکس های بنزوتیوفن-گوانین در جدول ۲ گزارش شده است.



شکل ٤. کانفورمرهای طراحی شده بین بنزوتیوفن - گوانین.



شکل ۵. ΔE بر حسب $\Sigma \rho$ بدست آمده برای کمپلکس های بنزوتیوفن-گوانین.

جدول ۲. انرژی پایداری ΔE برحسب کیلوکالری بر مول و دانسیته الکترونی ρ محاسبه شده در نقاط بحرانی پیوندها کمپلکس های بنزوتیوفن – گوانین (BtG).

	$\Delta \mathbf{E}$ (kcal mol ⁻¹)	[HNHS]	[O=C C]	[NCS]	[C=0S]	[H ₂ NC]	[NS]	[H ₂ NS]	Σρ10²
BtG1	-11/188						۰/۰۰۶۸۱		•/881
BtG2	-11/•48		•/••٧٨٣٣٣٧			•/••\$7\$79	•/••٧١١		7/171
BtG3	$-\lambda/9\Delta1$				۰/۰۰۷۴۰۸				•/٧۴١
BtG4	-1•/••٣		•/••۵٩•٣١٢					•/••۴٨•٢	۱/•Y١
BtG5	-17/189		•/••***	•/••٧۴٣١		•/••٧٣۴۵٨			$\chi/\chi\chi\chi$
BtG6	-17/444	•/••****	•/••٨١١٨٣٣						1/804
BtG7	-9/444								•/•••
BtG8	-11/788		•/••۶۵۵۶•۷	•/••٧٢١٨					1/344

۳-۳. کمیلکس های بنزوفوران - گوانین (BfG)

با توجه به محدوده ی انرژی برهم کنش کمپلکس بنزوفوران– گوانین می توان هشت کنفورمر موجود BfG1- تا BfG8 را در سه دسته طبقهبندی کرد (شکل ۶). دسته ی اول شامل کنفورمرهای BfG1 و BfG3 و BfG7 می شود که کنفورم BfG1 پایدارترین ساختار است. کنفورمرهای BfG1 و BfG3 به دلیل حضور چگالی الکترونی در نقطه بحرانی پیوند [C] ... C] نسبت به ساختار BfG7 پایدارترند. از طرفی در ساختار BfG7 حضور نقطه بحرانی پیوند [O] ... N] باعث ناپایداری این ساختار می گردد. ساختار BfG3 علاوه بر دارا بودن برهم کنش هیدروژنی ضعیف [O] ... BfG1 نسبت به کنفورمر BfG1 ناپایدارتر است که این ناپایداری می تواند به دلیل جهت گیری ساختارها و تأثیر برهمکنش π–π استکینگ مناسب تر در کنفورمر BfG1 باشد.

	ΔE (kcal mol ⁻¹)	[C0]	[O=CC]	[HNHO]	[NO]	[NO]	[H ₂ NC]	Σρ10²
BfG1	-11/447		•/••٨۴٣٩٧٢				•/••۶٧٩١١	1/5221
BfG2	$-1\cdot/\lambda$ dt	•/••٧٣٢۴	•/••٧٩٩١۴۴				•/••90919	Y/19.V
BfG3	-11/474		•/•• • • • • • • • • • • • • • • • • •	•/••٨١٧٩٣۵				1/99.9
BfG4	-9/51V		•/••٧٧٥٣٧•				•/••94131	1/4194
BfG5	-1•/٣٢٣							•/•••
BfG6	-A/FVA							•/•••
BfG7	-11/•۴۸				•/••٧11786	•/••٧٢۶		1/4421
BfG8	- \ / ۵ ۴۳	•/••٨٩•۴						•/19.4

جدول ۳. انرژی پایداری ΔE برحسب کیلوکالری بر مول و دانسیته الکترونی ρ محاسبه شده در نقاط بحرانی پیوندها کمپلکس های بنزوتیوفن – گوانین

کنفورمرهای BfG2 و BfG5 در دسته یدوم قرار می گیرند. کنفورمر BfG2 به دلیل داشتن نقاط بحرانی پیوند [C ... C] و [C ... O] و [C ... C] نسبت به ساختار BfG5 پایدارتر است. مجموع چگالی الکترونی در نقاط بحرانی پیوند برای کنفورمر BfG2 نسبت به سایر کنفورمرها بالاترین مقدار را دارد در صورتی که انتظار داریم این مجموع چگالی در کنفورمر BfG1 که پایدارترین ساختار است مقدار بیشینه را داشته باشد.

دسته ی سوم شامل کنفورمرهای BfG6 و BfG8 و BfG4 می شود. ساختار BfG4 دارای نقاط بحرانی پیوند [O ... C] و [H2N ... C] است و نسبت به دو ساختار BfG6 و BfG8 پایدارتر است. ساختار BfG8 شامل نقطه بحرانی پیوند [O ... C] می شود و نسبت به کنفورمر BfG6 پایدارتر است. به علاوه، مجموع چگالی الکترونی در نقاط بحرانی پیوند برای این سه کنفورمر می شود و نسبت به کنفورمر BfG6 پایدارتر است. به علاوه، مجموع چگالی الکترونی در نقاط بحرانی پیوند برای این سه کنفورمر با روند پایداری انرژی برهم کنش آنها مطابقت دارد. داده های مربوط به چگالی الکترونی در نقاط بحرانی پیوند برای برهم کنش ا های مؤثر در پایداری کمپلکس های بنزوفوران – گوانین در جدول ۳ گزارش شده است. بر اساس داده های این جدول، تغییر مقدار ΔΔ بر حسب Ω به دست آمده برای کمپلکس های بنزوفوران – گوانین نیز بررسی شده است. همانطور که روند تغییر داده ها نشان

٤-۳. مقایسهی پایداری سه دسته کمپلکس با یکدیگر

در بین پایدارترین ساختارهای سه دسته کمپلکس مورد بررسی، کنفورمر IGI با انرژی برهم کنش ۱۵/۷۹–۱۰-۱۹/۷۹ ، پایدارترین ساختار محسوب می شود. این پایداری از حضور نقاط بحرانی پیوند [O ... C] ، [NH ... O] و [N ... NH] و [HNH ... C] ناشی می شود. کنفورمر BtG6 با انرژی برهم کنش ۱۰-۱۲/۴۴ kcal.mol ، در جایگاه دوم قرار دارد که دارای نقاط بحرانی پیوند [O ... C] و [O ... C] و [O ... [HNH] است. کنفورمر BfG1 با انرژی برهم کنش ۱۰-۱۱/۴۴۱ kcal.mol ، نیز از نقطهنظر پایداری در مرتبهی سوم قرار گرفته و دارای نقطه بحرانی پیوند [O ... C] است. بنابراین مشاهده می شود که پایدارترین ساختار، بیشترین تعداد نقاط بحرانی پیوند، و ناپایدارترین ساختار، کمترین تعداد نقاط بحرانی پیوند را به خود اختصاص می دهند.



شکل ۲. کانفورمرهای طراحی شده بین بنزوفوران - گوانین.

از طرفی مجموع چگالی الکترونی در نقاط بحرانی پیوند برای کنفورمر IGI برابر با NOAN برای کنفورمرBrG6 برابر با ۲۸۳۵۲۸۲ و برای کنفورمر BfG1 برابر با ۸۰٬۱۵۲۳۰۸ است که برای پایدارترین ساختار، بیشترین مجموع چگالی الکترونی در نقاط بحرانی پیوند و برای ناپایدارترین ساختار، کمترین مقدار حاصل شده است. بر اساس جدول ۴، از رابطه بین طول پیوندهای مختلف و انرژی برهمکنش کمپلکسها میتوان گفت که در کمپلکس IG چون حلقههای ایندول و گوانین در برهمکنش ت استکینگ اهمیت دارند پس تغییر طول پیوندهای سازندهی این حلقهها در کنفورمرهای مختلف میتواند در برهمکنش فوق موثر باشد. مشاهده میشود که تغییر طول پیوند کربن – نیتروژن (N13 - 28) با انرژی برهمکنش IG ارتباط مستقیم دارد به طوری که هرچه کمپلکس فوق پایدارتر شود، طول پیوند مذکور کمتر و پایداری آن بیشتر میشود. درحالیکه تغییر طول پیوند (N13 - 22) ارتباط منطقی با انرژی برهمکنش ندارد. همچنین تغییر طول پیوند (N12 - 20) با انرژی برهمکنش کمپلکس IG مرتبط است به طوری که هرچه کنفورمرها پایدارتر میشوند طول پیوند مذکور کمتر و پایداری آن بیشتر میشود. درحالیکه تغییر طول پیوند (N13 - 22) ارتباط منطقی با انرژی برهمکنش ندارد. همچنین تغییر طول پیوند (N12 - 20) با انرژی برهمکنش کمپلکس IG مرتبط است به طوری که هرچه کنفورمرها پایدارتر میشوند طول پیوند مذکور کاهش مییابد و پایدارتر میشود. درحالیکه تغییر طول پیوند (N13 - 20) با انرژی برهمکنش کمپلکس IG مرتبط است به ار طرف دیگر تغییر طول پیوند نیتروژن – هیدروژن (H14 - 131) با انرژی برهمکنش کمپلکس IG رابطه مستقیم دارد به نحوی که

ار طرف دیگر تعییر طول پیوند نیتروژن – هیدروژن (H14 - N15) با انرژی برهمکنش کمپلکس IG رابطه مستفیم دارد به نخوی که هرچه کنفورمر IG پایدارتر شود، طول پیوند فوق افزایش مییابد و این پیوند سستتر شده و میتواند با حلقهی گوانین پیوند هیدروژنی تشکیل دهد. همچنین با پایدارتر شدن کنفورمرها، طول پیوند (O28 – C27) افزایش مییابد و این پیوند نیز ضعیفتر میشود بهطوری که طویل تر شدن همزمان پیوندهای N-H و O-O میتواند موید تشکیل پیوند هیدروژنی در کمپلکسها باشد. در کمپلکسهای BtG و BfG هیچ ارتباط منطقی بین طول پیوندها و انرژی پایداری کمپلکسها دیده نمی شود. کنفورمرهای مختلف کمپلکسهای BtA, IA یز بهمنظور بررسی برهم کنش بین باز و قطعه دارویی در سطح نظری AIM و M062X/6311++G(d,p) نهینه شدند. محاسبات AIM و NBO و تجزیه و تحلیل بار ChelpG نیز بر روی آنها انجام پذیرفت.

	ΔE (kcal mol ⁻¹)	ľc8-N13	Г С2-N13	ľ n13-H14	ľ C27-N22
IG1	-10/769	1/5005	1/3740	1/944	1/411.9
IG2	-13/1.4	1/3781	1/3789	1/••	1/42420
IG3	-1•/411	1/4092	1/3788	1/۵٨٣	۱/۴۳۰۰۸
IG4	-10/893	1/378	1/300	1/•1747	1/41098
IG5	-13/414	1/345.	1/301	1/•1••*	1/47.44
IG6	-1•/411	1/48.4	١/٣٧٨٠	١/••۵٨	1/47491
IG7	-1./144	١/٣٨٠۶	1/3744	1/001	1/48149

جدول ٤. ارتباط بین طول پیوندهای مختلف در کمپلکس ایندول - گوانین با انرژی پایداری.

۳-۵. کمپلکسهای ایندول- آدنین (IA)



شکل ۲. کانفورمرهای طراحی شده بین ایندول - آدنین.

های	كمپلكس	_ی پیوندھا	نقاط بحران	محاسبه شده در	الكتروني	Chelp و دانسیته	ں، بارھای G	کالری بر موز	كيلوم	شده برحسب	∆E محاسبه	ں پایدار <u>ی</u>	، ٥. انرژي	جدول
						نین (IA).	ایندول - آد							

	ΔE (kcal mol ⁻ 1)	q (Chelp G)	[CC]	[CC]	[CC]	[NC]	[NC]	[HCNH]	[HNCH]	[CNH]	[NCH]	[HNC]	Σρ1 0 ²	ρ_{Max} 10 ²
IA1	- ٩ /٣٠٣۶	•/•19٣	•/••٧٢	•/••٧١	•/•••	•/••٧۴	•/•••	•/•••	•/•••	•/•••	•/•••	•/••٧٢	۲/۸۹۸	•/144
IA2	-1•/V٣٣•	•/•799	•/••94	•/••••	•/••••	•/••••	•/••••	•/•••	•/••٨•	•/•••	•/•••	•/•••	1/V0.	•/94.
IA3	-9/1290	•/•144	•/••99	•/••٨۵	•/••••	•/••••	۰/۰۰۸۱	•/•••	•/••9•	•/•••	•/•••	•/•••	2/921	• / ٨۴٨
IA4	-9/18	•/••۵۲	•/••۶٩	·/··AY	•/••••	•/••••	•/••••	•/••٧٧	•/•••	•/•••	•/••9٣	•/•••	2/919	·///·
IA5	-11/8394	•/•۴١٣	•/••٧٢	۰/۰۰۸۱	•/••٨9	•/••••	•/••••	•/•••	•/••94	•/•٧٢	•/•••	•/••••	3/204	•/٨٦٢
IA6	-11/988.	•/•٣9٨	•/••٩٣	•/••٧•	•/••99	•/••••	•/••••	•/•••	•/••٧۴	•/•••	•/•••	•/••••	۳/۰۶۸	•/934
IA7	-9/005.	•/•77۴	•/••٧٢	•/••٨•	•/••••	•/••••	•/••••	•/•••	•/••٧۴	•/•••	•/•• ? V	•/••٨•	٣/٧٣٢	۰/۸۰۰

۳-۳. کمپلکسهای بنزوتیوفن- آدنین (BtA)

در بین هشت کنفورمر کمپلکس بنزوتیوفن – آدنین، که با نامهای (BtAB تا BtA8) مشخص شدهاند، کنفورمرBtA6 پایدارترین ساختار است (شکل ۸). این پایداری به دلیل داشتن بیشترین مقدار چگالی نقطه بحرانی پیوند بین اتمهای کربن باز آدنین و بنزوتیوفن [C...C] است. ساختارهای BtA5 و BtA3 ناپایدارترین کنفورمرها محسوب می شوند که دارای کمترین مقدار چگالی الکترونی در نقطهی بحرانی پیوند هستند. دادههای بار ChelpG نشان می دهد که انتقال بار در تمامی کمپلکسها (به جز BtA3 و BtA3) از بنزوتیوفن به آدنین صورت گرفته است. دادههای مربوط به بار OhelpG و مجموع و ماکزیمم چگالی الکترونی در نقاط بحرانی پیوند برای برهم کنش های موثر در پایداری کمپلکس های بنزوتیوفن – آدنین در جدول ۶ گزارش شده است.



شکل ۸. کانفورمرهای طراحی شده بین بنزوتیوفن - آدنین.

جدول ٦. انرژی پایداری ∆ محاسبه شده برحسب کیلوکالری بر مول، بارهای ChelpG و دانسیته الکترونی م محاسبه شده در نقاط بحرانی پیوندها کمپلکس های بنزوتیوفن - آدنین

	∆E (kcal mol ⁻¹)	q (ChelpG)	[CC]	[CC]	[CC]	[NC]	[NCH]	[NS]	[HCS]	[CS]	[H ₂ NH]	[HN S]	[HN CH]	Σ ρ10 ²	$\rho_{Max} 10^2$
BtA1	-9/•V9	•/••\$9٣	•/••٧٣	•/••٧۶	۰/۰۰۶۵	•/••٧٣	•/••••	•/••••	•/••••	•/••••	•/••••	•/••••	•/••••	۲/۸۷۸	۰/V۶۳
BtA2	-1•/991	•/•70.4	•/••99	۰/۰۰۶۵	•/••٧٩	•/••••	•/••9٣	•/••٧٣	•/••••	•/••••	•/••••	•/•••	•/•••	3/490	• /VAV
BtA3	-٨/٩۴۵	-•/••*1٧	•/••99	•/••\$9	•/••••	•/••••	•/•• 9 V	•/••••	•/••۶٩	•/••••	•/••••	•/••••	•/••••	2/241	•/991
BtA4	$-4/\Delta\Lambda V$	_•/•••٣٣	•/••٧۵	•/••\$9	•/••٧۴	•/••••	•/••9٨	•/••94	•/••••	•/••••	•/••••	•/••••	•/••••	3/491	•/٧۴٧
BtA5	$-\Lambda/\Lambda\Upsilon V$	•/••۴۲٨	•/••99	•/•• ? Y	۰/۰۰۶۵	•/••••	•/••••	•/••••	•/••٧•	•/••••	•/••••	•/••••	•/••••	۲/۷۱۲	•/999
BtA6	-11/189	•/• 41•	•/••٧٢	•/••^٢	•/••99	•/••••	•/••••	•/••••	•/••••	•/••٧٣	•/••••	•/••••	•/••••	2/921	۰/۸۲۳
BtA7	-9/ ٣ •V	•/••986	•/••9٣	•/••^٢	•/••••	•/••••	•/••V1	•/••••	•/••••	•/••••	·/··۴۸	•/••9٨	•/••••	37/326	•/AY•
BtA8	-1•/497	•/•٣٢•٧	•/••9٣	•/••٧۶	•/••٨٢	•/••••	•/••۶۲	•/••••	•/••٧٣	•/••••	•/••••	•/••••	•/••9۵	۴/۲۰۷	۰/۸۱۶

۳-۷. کمپلکس های بنزوفوران- آدنین (BfA)

در بین هفت کنفورمر کمپلکس بنزوفوران– آدنین (BfA1 تا BfA7)، کنفورمر BfA6 پایدارترین ساختار است. این پایداری به دلیل داشتن بیشترین مقدار چگالی الکترونی در نقطه بحرانی پیوند بین اتمهای کربن باز آدنین و بنزوفوران [C ... C] است. ساختار BfA1 ناپایدارترین ساختار بوده که دارای کمینه مقدار چگالی الکترونی در نقطه بحرانی پیوند است. دادههای بار ChelpG نشان میدهد که انتقال بار در تمامی کمپلکسها (به جز BfA3 و BfA4) از بنزوفوران به آدنین صورت می گیرد. دادههای مربوط به بار ChelpG و مجموع و بیشینه چگالی الکترونی در نقاط بحرانی پیوند برای برهم کنشهای موثر در پایداری کمپلکسهای بنزوفوران-آدنین در جدول ۷ گزارش شده است.

بر اساس جدول ۸، مقادیر طول پیوندهای مختلف بر حسب انرژی برهمکنش کمپلکس ها مشاهده می شود که در کمپلکس های IA تغییر طول پیوند کربن – کربن (C₅ – C₅) در ایندول با انرژی برهمکنش IA ارتباط خطی دارد به طوری که هرچه کمپلکس فوق پایدارتر شود، طول پیوند مذکور بیشتر و پایداری آن کمتر می شود. همچنین تغییر طول پیوند (N₂6 – H₃1) در باز آدنین با انرژی برهمکنش کمپلکس IA ارتباط خطی دارد به طوری که هرچه کنفورمرها پایدارتر می شوند طول پیوند مذکور افزایش می یابد و ناپایدارتر می شود. از طرفی در پایدارترین ساختار IA حضور نقطه ی بحرانی پیوند بین اتم C4 ایندول و اتم N₂6 باز آدنین پایداری این ساختار را تایید می کند.

در کمپلکسهای BtA بین تغییر طول پیوندهای کربن – کربن (C₂ – C₃) و (C₂ – C₃) در بنزوتیوفن با انرژی برهمکنش BtA ارتباط خطی دارد به طوری که هرچه کمپلکس فوق پایدارتر شود، طول پیوندهای مذکور بیشتر و پایداری آنها کمتر می شود (جدول ۹). همچنین تغییر طول پیوندهای (N₂6 – C₂0) و (N₂6 – H₃0) در باز آدنین با انرژی برهمکنش کمپلکس BtA ارتباط خطی دارد به طوری که هرچه کنفورمرها پایدارتر می شوند طول پیوندهای مذکور افزایش می یابد و ناپایدارتر می شود. از طرفی در پایدارترین ساختار BtA حضور نقطهی بحرانی پیوند بین اتم C₃ بنزوتیوفن و اتم C₂0 باز آدنین موید پایداری این ساختار است. در کمپلکسهای BtA بین تغییر طول پیوندهای بنزوفوران و انرژی برهمکنش BtA ارتباطی منطقی برقرار نیست ولی بین تغییر طول

پیوند کربن- کربن (C15 – C16) باز آدنین و انرژی برهمکنش کمپلکس ها ارتباط نسبتا خوبی برقرار شده است به طوری که هرچه کنفورمرها پایدارتر میشوند طول پیوندهای مذکور افزایش مییابد و سیستم ناپایدارتر میشود (جدول ۱۰).

۸-۳. تجزیه و تحلیل NBO برای کمپلکس های گوانین و آدنین

انرژی های برهم کنش دهنده- پذیرنده (E²) برای تمامی کمپلکس ها برحسب kcal/mol توسط آنالیز NBO در سطح نظری M062X/6311++G(d,p) محاسبه شده اند.

بر اساس جدول ۱۱ در کمپلکسهای بنزوتیوفن– گوانین، پایدارترین کنفورمر BtG6 دارای بیشترین مقدار ²E² و ناپایدارترین کنفورمر BtG3 دارای کمترین مقدار ²E² است ولی در مجموع بین انرژی پایداری تمام کنفورمرهای موجود و ²E² ارتباطی منطقی وجود ندارد. در کمپلکسهای ایندول– گوانین و بنزوفوران– گوانین بین انرژی پایداری کمپلکسها و ²E² ارتباط منطقی برقرار نیست. در کمپلکسهای بنزوتیوفن– آدنین ملاحظه میشود که مقادیر ²E² با افزایش انرژیهای پایداری کنفورمرهای کاهش می یابد به طوری که ارتباط خطی منطقی بین این دو پارامتر برقرار است. در کمپلکس بنزوفوران– آدنین مقادیر ²E² با افزایش انرژیهای پایداری کنفورمرها، کاهش مییابد ولی در کمپلکس ایندول− آدنین بین مقادیرE²∑ و انرژیهای پایداری کنفورمرها ارتباط منطقی برقرار نیست.

جدول ۲. انرژی پایداری ΔE محاسبه شده برحسب کیلوکالری بر مول، بارهای ChelpG و دانسیته الکترونی م محاسبه شده در نقاط بحرانی پیوندها کمپلکس های بنزوفوران - آدنین (BfA).

	ΔE (kcal mol ⁻¹)	q (ChelpG)	[CC]	[CC]	[CC]	[HNC]	[NC]	[NCH]	[NO]	[HNCH]	[NCH]	Σρ10²	$\rho_{\text{Max}} \mathbf{10^2}$
BfA1	-8/948	•/••۵•۴٨	•/••٧٣	•/••٧١	•/••••	•/••٧•	۰/۰۰۷۳	•/•••	•/•••	•/••••	•/••••	Y/AVV	۰/V٣۴
BfA2	-9/129	•/•14977	•/••٧•	•/•••	•/••••	•/•••	•/••••	•/•••	•/•••	•/••••	•/••••	1/497	·/V9V
BfA3	-8/904	-•/••٣٧٧۶	•/••٧٩	•/••٧۵	•/•••	•/••••	•/••••	•/••۶١	•/••٧۵	•/••••	•/••99	300/7	۰/ ۷۹۱
BfA4	-٨/٩٦١	-•/••۶۲۳۳	•/••VF	•/••٨١	•/••99	•/••••	•/••••	•/••99	•/•••	•/••••	•/••••	۲/Л۶۴	۰/۷۸۳
BfA5	- ٩ /۶٠٩	•/•٣١٩٨٢	•/••9۵	•/••٧٣	٠/٠٠٨١	•/••٧٨	•/••••	•/••••	•/••٧١	•/••••	•/••••	٣/۶٨۴	•/A•V
BfA6	- <i>\.</i> /./.	•/• 14110	•/••99	•/••••	•/••٧٧	•/••••	•/••••	•/••••	•/•••	•/••••	•/••••	۲/۲۷۹	۰/۸۱۶
BfA7	-9/٧٣١	•/•1986	•/••90	۰/۰۰۸۲	•/••••	۰/۰۰۸۱	•/••••	•/••¥•	•/••••	•/••٧٢	•/••••	٣/٧٠۴	۰/۸۱۸

جدول ۸. ارتباط بین طول پیوندهای مختلف در کمپلکس ایندول - آدنین با انرژی پایداری.

	IE (kcal/mol)	C4-C5	N26-H31
IA6	- 11/9 ۶۸	1/41.00	۱/۰۱۰۰۳
IA5	-11/94.	1/410	1/•1•••
IA2	- \ • / \\\	1/4.949	1/•• • • • • • •
IA7	-9/553	1/4.979	1/••٩١٢
IA1	-9/ ٣ .٣	1/4.913	1/
IA3	-4/184	١/۴٠٨٨٧	1/
IA4	- ٩ / ١۶·	1/4.121	1/

جدول ۹. ارتباط بین طول پیوندهای مختلف در کمپلکس بنزوتیوفن - گوانین با انرژی پایداری.

	IE (kcal/mol)	C2-C3	C4-C5	N26-C20	N25-H30
BtA6	-11/189	1/29751	1/4.980	1/2.26	١/٠٠٨٨٨
BtA2	-1•/991	1/49778	1/4.090	1/2.289	١/٠٠٩٠٨
BtA8	-1•/F7V	1/39220	1/4.445	1/2.208	1/٩٢
BtA4	- ٩ /۵ <i>٨۶</i>	1/39115	1/8.824	1/4.1.4	١/٠٠٧٦
BtA7	- ٩ /٣•٧	1/29986	1/4.44	١/٣٠٢٨١	1/••٧٩١
BtA1	-٩/•٧٩	1/39500	1/4.4.9	1/2.218	1/••¥01
BtA3	-8/945	1/29822	1/4•48	1/2.190	1/
BtA5	-A/AYV	1/39515	1/4.411	1/4.778	1/

	IE (kcal/mol)	C16-C17
BfA6	- \ •/•¥•	1/29119
BfA7	-9/VY 1	1/29.09
BfA5	- ٩ /۶•٩	1/29120
BfA2	-9/176	1/29.91
BfA4	-9/9۶1	1/29.26
BfA3	- A / % ۵۴	1/29.29
BfA1	- \ /۶۴\	1/29

جدول ۱۰. ارتباط بین طول پیوندهای مختلف در کمپلکس بنزوفوران - گوانین با انرژی پایداری.

جدول ۱۱. مقادیر انرژی پایداری (برهمکنش) و E2∑ برای کمپلکس های مورد مطالعه.

	IE	∑E²		IE	∑E ²		IE	∑E ²
	(kcal/mol)	(kcal/mol)		(kcal/mol)	(kcal/mol)		(kcal/mol)	(kcal/mol)
IG1	-10/789	•/94	BtG6	-17/444	١/٢١	BfG6	-11/441	•/7۴
IG4	-10/993	٠/١٣	BtG5	-17/199	٠/٧۴	BfG3	-11/444	• /۵۵
IG2	-13/1.4	• /۵۳	BtG8	-11/198	•/99	BfG7	-11/•۴۸	• /44
IG5	-13/414	•/19	BtG1	-11/198	•/44	BfG2	-11/204	• / • V
IG6	-1•/418	•/ ? V	BtG2	-11/•49	• /۳۵	BfG5	-1•/٣٢٣	٠/١٨
IG3	-1./411	•/••	BtG4	-1./٣	•/•٩	BfG4	-9/۵IV	•/••
IG7	-1./184	•/*1	BtG7	-9/444	•/۴۶	BfG8	-8/54	• /٣٧
			BtG3	-٨/٩۵١	•/••V	BfG6	$-\lambda/$ FV λ	•/٢•

۴. نتیجه گیری

چندین کنفورمر مختلف از کمپلکس های تشکیل شده بین بخش های مختلف دارویی شامل ایندول، بنزوتیوفن و بنزوفوران با گوانین و آدنین توسط تابع M062X/6-311++G(d,p) با استفاده از روش تابعی چگال بهینه شدند. علاوه بر روش DFT از آنالیز اتم در مولکول (AIM) و روش NBO برای بررسی برهمکنش های π-π مربوط به کمپلکس های مورد مطالعه نیز به کار گرفته شد. با توجه به نتایج به دست آمده ترتیب پایداری ها برای کمپلکس های گوانین به صورت IG1 > BtG6 > BfG1 و همچنین برای کمپلکس های آدنین به صورت IG6 > BtG6 است. با توجه به این روند متوجه می شویم که کنفورمر IG1 و IG6 است. با توجه به این روند متوجه می شویم که کنفورمر IG1 و IG6 بیشترین پایداری را در بین تمام کنفورمرهای گوانین و آدنین دارند.

[1] م. هروی، شیمی آلی: دورهای کوتاه، هارولد هارت، دیوید ج. هارت، لسلی کراین، نشرمشهد، ویرایش نهم،(۱۳۷۵).

[2] Morrison and Boyd, Organic chemistry., 3 (1989).

[3] Elson, D., Metabolism of nucleic acids (macromolecular DNA and RNA). Annual review of biochemistry, 34(1) (1965) 449-486.

[4] Cox, R.A., Macromolecular structure and properties of ribonucleic acids. *Ouarterly Reviews*, Chemical Society, 22(4) (1968) 499-526.

[5] Davies, S.G., Pyatt, D. and Thomson, C., Synthesis of 6-substituted-3, 4-dihydro-2H-1benzopyran-2-ones (dihydrocoumarins) via palladium catalysed coupling reactions. Journal of organometallic chemistry, 387(3) (1990) 381-390.

[6] Kossel, A. and Steudel, H., Weitere Untersuchungen über das Cytosin. Hoppe-Seyler's Zeitschrift für physiologische Chemie, 38(1-2) (1903) 49-59.

[7] Wyatt, M.D. and Wilson, D.M., Participation of DNA repair in the response to 5-fluorouracil. Cellular and molecular life sciences, 66(5) (2009) 788-799.

[8] Vermes, A., Guchelaar, H.J. and Dankert, J., Flucytosine: a review of its pharmacology, clinical indications, pharmacokinetics, toxicity and drug interactions. Journal of Antimicrobial Chemotherapy, 46(2) (**2000**) 171-179.

[9] Beak, P., Energies and alkylations of tautomeric heterocyclic compounds: old problems-new answers. Accounts of Chemical Research, 10(5) (1977) 186-192.

[10] Fujita, K.I., Li, Z., Ozeki, N. and Yamaguchi, R., N-Alkylation of amines with alcohols catalyzed by a Cp* Ir complex. *Tetrahedron Letters*, 44(13) (2003) 2687-2690.

[11] Anderson, G.W., Halverstadt, I.F., Miller, W.H. and Roblin Jr, R.O., Studies in Chemotherapy. X. Antithyroid Compounds. Synthesis of 5-and 6-Substituted 2-Thiouracils from β-Oxoesters and Thiourea1. Journal of the American Chemical Society, 67(12) (1945) 2197-2200.

[12] Katritzky, A.R. and Lagowski, J.M., Prototropic Tautomerism of Heteroaromatic compounds: I. General discussion and methods of study. Advances in Heterocyclic Chemistry, 1 (1963) 311-338.

[13] Hamid Reza Masoodi, Sotoodeh Bagheri and Mahsa Abareghi, J of Bi Str& Dyn: 34 (2016) 1143.

[14] Marín-Luna, M., Alkorta, I. and Elguero, J., The effect of cytosine methylation on its halogenbonding properties. Computational and Theoretical Chemistry, 1076 (2016) 101-108.

[15] Banyasz, A., Esposito, L., Douki, T., Perron, M., Lepori, C., Improta, R. and Markovitsi, D., Effect of C5-Methylation of Cytosine on the UV-Induced Reactivity of Duplex DNA: Conformational and Electronic Factors. The Journal of Physical Chemistry B, 120(18) (2016) 4232-4242.

[16] Hu, K., Zhuang, J., Zheng, C., Ma, Z., Yan, L., Gu, H., Zeng, X. and Ding, J., Effect of novel cytosine-l-alanine derivative based corrosion inhibitor on steel surface in acidic solution. Journal of Molecular Liquids, 222 (2016) 109-117.

[17] Gao, J., Berden, G., Rodgers, M.T. and Oomens, J., Interaction of Cu+ with cytosine and formation of i-motif-like C-M+-C complexes: alkali versus coinage metals. Physical Chemistry Chemical Physics, 18(10) (2016) 7269-7277.

[18] Blaser, S., Trachsel, M.A., Lobsiger, S., Wiedmer, T., Frey, H.M. and Leutwyler, S., Gas-Phase Cytosine and Cytosine-N1-Derivatives Have 0.1-1 ns Lifetimes Near the S1 State Minimum. The journal of physical chemistry letters, 7(5) (2016) 752-757.

[19] Minoshima, Y., Seki, Y., Takayanagi, T. and Shiga, M., Effects of temperature and isotopic substitution on electron attachment dynamics of guanine-cytosine base pair: Ring-polymer and classical molecular dynamics simulations. Chemical Physics, 472 (2016) 1-8.

[20] Mirzaei, M., Gülseren, O. and Hadipour, N., DFT explorations of quadrupole coupling constants for planar 5-fluorouracil pairs. Computational and Theoretical Chemistry, 1090 (2016) 67-73.

[21] Madzharova, F., Heiner, Z., Gühlke, M. and Kneipp, J., Surface-Enhanced Hyper-Raman Spectra of Adenine, Guanine, Cytosine, Thymine, and Uracil. *The Journal of Physical Chemistry C*, *120*(28) (2016) 15415-15423.

[22] Han, S.Y., The Effects of Proton Affinities on Proton Transfer in the Gas-Phase Protonated Homodimers of Halogen-substituted Cytosines. *Bulletin of the Korean Chemical Society*, *37*(2) (**2016**) 250-253.

[23] Eyring, H., The activated complex in chemical reactions. *The Journal of Chemical Physics*, *3*(2) (**1935**) 107-115.

[24] Wynne-Jones, W.F.K. and Eyring, H., The absolute rate of reactions in condensed phases. *The Journal of Chemical Physics*, *3*(8) (**1935**) 492-502.

[25] Lees, R.M. and Baker, J.G., Torsion–vibration–rotation interactions in methanol. I. Millimeter wave spectrum. *The Journal of Chemical Physics*, 48(12) (**1968**) 5299-5318.

[26] Tavakol, H. and Farrokhpour, H., DFT and MP2 study of low barrier proton transfer in hydrazide schiff base tautomers via water bridges and in the gas. *Journal of molecular modeling*, *19*(9) (**2013**) 3471-3479.

[27] Jolibois, F., Grand, A., Cadet, J., Adamo, C. and Barone, V., Towards an effective computational tool for the study of radiation-induced lesions of DNA bases: Hydrogen addition to thymine as a test case. *Chemical physics letters*, *301*(3) (**1999**) 255-262.

[28] Johnson, E.R. and Dilabio, G.A., Radicals as hydrogen bond donors and acceptors. *Interdisciplinary Sciences: Computational Life Sciences*, *1*(2) (**2009**) 133-140.

[29] Gaussian 09, Revision A.02, Frisch, M.J., Trucks, G.W., Schlegel, H.B., Scuseria, G.E., Robb, M.A., Cheeseman, J.R., Scalmani, G., Barone, V., Mennucci, B., Petersson, G.A., Nakatsuji, H., Caricato, M., Li, X., Hratchian, H.P., Izmaylov, A.F., Bloino, J., Zheng, G., Sonnenberg, J.L., Hada, M., Ehara, M., Toyota, K., Fukuda, R., Hasegawa, J., Ishida, M., Nakajima, T., Honda, Y., Kitao, O., Nakai, H., Vreven, T., Montgomery, J. A., Peralta, J. E., Ogliaro, F., Bearpark, M., Heyd, J.J., Brothers, E., Kudin, K.N., Staroverov, V.N., Kobayashi, R., Normand, J., Raghavachari, K., Rendell, A., Burant, J.C., Iyengar, S.S., Tomasi, J., Cossi, M., Rega, N., Millam, J.M., Klene, M., Knox, J.E., Cross, J.B., Bakken, V., Adamo, C., Jaramillo, J., Gomperts, R., Stratmann, R.E., Yazyev, O. Austin, A.J., Cammi, R., Pomelli, C., Ochterski, J.W., Martin, R.L., Morokuma, K., Zakrzewski, V.G., Voth, G.A., Salvador, P., Dannenberg, J.J., Dapprich, S., Daniels, A.D., Farkas, O., Foresman, J.B., Ortiz, J.V., Cioslowski, J., and Fox, D.J., *Gaussian, Inc., Wallingford CT*, (**2009**).

[30] Shao, Y., Yao, L. and Lin, S.H., On the calculation of rate constants of the small cyclic water cluster by anharmonic RRKM theory. *Chemical Physics Letters*, 478(4) (**2009**) 277-282.

[31] Herbert, J.M. and Head-Gordon, M., Calculation of electron detachment energies for water cluster anions: An appraisal of electronic structure methods, with application to (H2O) 20-and (H2O) 24. *The Journal of Physical Chemistry A*, *109*(23) (**2005**) 5217-5229.

[32] Allouche, A., Water adsorption on NaCl (100): a quantum ab-initio cluster calculation. *Surface science*, 406(1) (**1998**) 279-293.

[33] Lutrus, C.K., Hagen, D.E. and Salk, S.H., Temperature and supersaturation dependent nucleation rates of heterogeneous water by molecular cluster model calculation. *The Journal of chemical physics*, *99*(12) (**1993**) 9962-9971.

[34] Yepes, D., Murray, J.S., Santos, J.C., Toro-Labbé, A., Politzer, P. and Jaque, P., Fine structure in the transition region: reaction force analyses of water-assisted proton transfers. *Journal of molecular modeling*, *19*(7) (**2013**) 2689-2697.

[35] Ahn, D.S., Lee, S. and Kim, B., Solvent-mediated tautomerization of purine: single to quadruple proton transfer. *Chemical physics letters*, *390*(4) (**2004**) 384-388.

[36] Karton, A., O'Reilly, R.J. and Radom, L., Assessment of theoretical procedures for calculating barrier heights for a diverse set of water-catalyzed proton-transfer reactions. *The Journal of Physical Chemistry A*, *116*(16) (**2012**) 4211-4221.

[37] Nachimuthu, S., Gao, J. and Truhlar, D.G., A benchmark test suite for proton transfer energies and its use to test electronic structure model chemistries. *Chemical physics*, 400 (**2012**) 8-12.

[38] Furmanchuk, A.O., Isayev, O., Gorb, L., Shishkin, O.V., Hovorun, D.M. and Leszczynski, J., Novel view on the mechanism of water-assisted proton transfer in the DNA bases: bulk water hydration. *Physical Chemistry Chemical Physics*, *13*(10) (**2011**) 4311-4317.

[39] Markova, N., Enchev, V. and Timtcheva, I., Oxo- Hydroxy Tautomerism of 5-Fluorouracil: Water-Assisted Proton Transfer. *The Journal of Physical Chemistry A*, *109*(9) (**2005**)1981-1988.

[40] Folmer, D.E., Wisniewski, E.S., Stairs, J.R. and Castleman, A.W., Water-assisted proton transfer in the monomer of 7-azaindole. *The Journal of Physical Chemistry A*, *104*(45) (**2000**)10545-10549.

[41] Ren, Y., Li, M. and Wong, N.B., Prototropic tautomerism of imidazolone in aqueous solution: a density functional approach using the combined discrete/self-consistent reaction field (SCRF) models. *Journal of molecular modeling*, *11*(2) (**2005**)167-173.

[42] Loerting, T. and Liedl, K.R., Water-mediated proton transfer: a mechanistic investigation on the example of the hydration of sulfur oxides. *The Journal of Physical Chemistry A*, *105*(21) (**2001**) 5137-5145.

[43] Macernis, M., Kietis, B.P., Sulskus, J., Lin, S.H., Hayashi, M. and Valkunas, L., Triggering the proton transfer by H-bond network. *Chemical Physics Letters*, 466(4) (**2008**) 223-226.

[44] Enchev, V., Markova, M. and Angelova, S., Prototropic tautomerism in aqueous solution: combined and discrete/SCRF models. *Chem Phys Res J*, *1* (2007)1-36.